```
          10                  30                  50
GCACGAGGGCGACTTCGCGGGACCGTGGCGCATGTTTCCTGGGAGTTACTGATCATCTTC
          70                  90                 110
TTTGAAGAAACATGAAGTTACACTATGTTGCTGTGCTTACTCTAGCCATCCTGATGTTCC
             M   K   L   H   Y   V   A   V   L   T   L   A   I   L   M   F   L
         130                 150                 170
TGACATGGCTTCCAGAATCACTGAGCTGTAACAAAGCACTCTGTGCTAGTGATGTGAGCA
  T   W   L   P   E   S   L   S   C   N   K   A   L   C   A   S   D   V   S   K
         190                 210                 230
AATGCCTCATTCAGGAGCTCTGCCAGTGCCGGCCGGGAGAAGGCAATTGCTCCTGCTGTA
  C   L   I   Q   E   L   C   Q   C   R   P   G   E   G   N   C   S   C   C   K
         250                 270                 290
AGGAGTGCATGCTGTGTCTTGGGGCCCTTTGGGACGAGTGCTGTGACTGTGTTGGTATGT
  E   C   M   L   C   L   G   A   L   W   D   E   C   C   D   C   V   G   M   C
         310                 330                 350
GTAATCCTCGAAATTATAGTGACACACCTCCAACTTCAAAGAGCACAGTGGAGGAGCTGC
  N   P   R   N   Y   S   D   T   P   P   T   S   K   S   T   V   E   E   L   H
         370                 390                 410
ATGAACCGATCCCTTCTCTCTTCCGGGCACTCACAGAAGGAGATACTCAGTTGAATTGGA
  E   P   I   P   S   L   F   R   A   L   T   E   G   D   T   Q   L   N   W   N
         430                 450                 470
ACATCGTTTCTTTCCCTGTTGCAGAAGAACTTTCACATCATGAGAATCTGGTTTCATTTT
  I   V   S   F   P   V   A   E   E   L   S   H   H   E   N   L   V   S   F   L
         490                 510                 530
TAGAAACTGTGAACCAGCCACACCACCAGAATGTGTCTGTCCCCAGCAATAATGTTCACG
  E   T   V   N   Q   P   H   H   Q   N   V   S   V   P   S   N   N   V   H   A
         550                 570                 590
CGCCTTATTCCAGTGACAAAGAACACATGTGTACTGTGGTTTATTTTGATGACTGCATGT
  P   Y   S   S   D   K   E   H   M   C   T   V   V   Y   F   D   D   C   M   S
         610                 630                 650
CCATACATCAGTGTAAAATATCCTGTGAGTCCATGGGAGCATCCAAATATCGCTGGTTTC
  I   H   Q   C   K   I   S   C   E   S   M   G   A   S   K   Y   R   W   F   H
         670                 690                 710
ATAATGCCTGCTGCGAGTGCATTGGTCCAGAATGTATTGACTATGGTAGTAAAACTGTCA
  N   A   C   C   E   C   I   G   P   E   C   I   D   Y   G   S   K   T   V   K
         730                 750                 770
AATGTATGAACTGCATGTTTTAAAGAAGACAAATGCAAACCAAAGCAACTTAGTAAAATA
  C   M   N   C   M   F   *
```

FIG. 1

```
                .         .         .         .         .
  1  MKLHYVAVLTLAILMFLTWLPESLSCNKALCASDVSKCLIQELCQCRPGE  50
     |.| :  |: :. :  :..|::. :||..:|:| |||||| : |||: .:
  1  mqllcyfvilfvglapwsslanddgcnevvcgsvvskclitqscqcklnd  50

                .         .         .         .         .
 51  GNCSCCKECMLCLGALWDECCDCVGMCNPRNYSDTPPTSKSTVEELHEPI  100
       | |||:|: |||.|: |||:|::|| .:.   .. |.:|.:::: |.:
 51  ..chcckdclnclgelyieccgcldmcpkhkdvlpsltprseigdi.egv  97

                .         .         .         .         .
101  PSLFRALTEGDTQLNWNIVSFPVAEELSHHENLVSFLETVNQPHHQNVSV  150
     |.|| .||.:|.: .|..:.|.: .::.:: . ..  :..|
 98  pelfdtltaedde.gwstirfsmragfkqrvqggasgdagn.........  137

                .         .         .         .         .
151  PSNNVHAPYSSDKEHMCTVVYFDDCMSIHQCKISCESMGASKYRWFHNAC  200
       .|.::  :|.   :|||:|.:.|:. :.|:  |||||||.||||||::|
138  ..gngngnagsagvtlctviyvnsciranckcrqqcesmgassyrwfhdgc  185

                .         .
201  CECIGPECIDYGSKTVKCMNC                                221
     |||:|.:|::|| .. :|..|
186  cecvgencnlnyginesrcrgc                               206
```

FIG.2

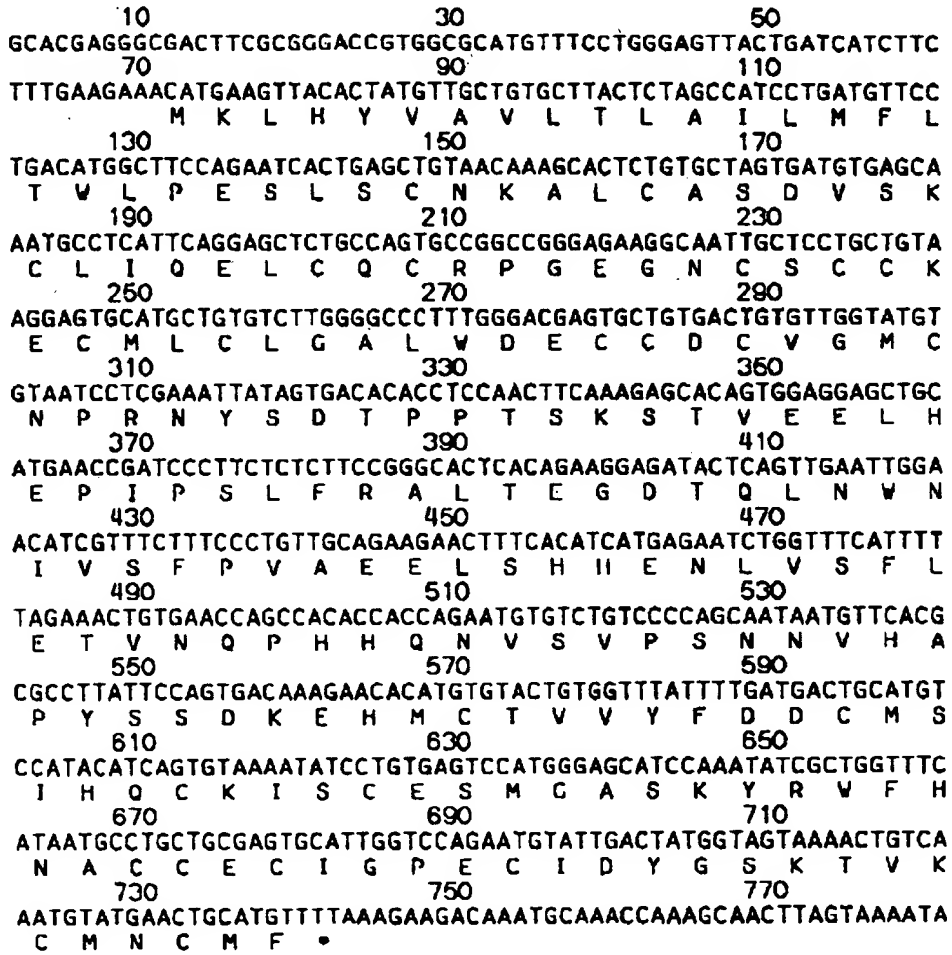
10 30 50
GCACGAGGGCGACTTCGCGGGACCGTGGCGCATGTTTCCTGGGAGTTACTGATCATCTTC
70 90 110
TTTGAAGAAACATGAAGTTACACTATGTTGCTGTGCTTACTCTAGCCATCCTGATGTTCC
M K L H Y V A V L T L A I L M F L
130 150 170
TGACATGGCTTCCAGAATCACTGAGCTGTAACAAAGCACTCTGTGCTAGTGATGTGAGCA
T W L P E S L S C N K A L C A S D V S K
190 210 230
AATGCCTCATTCAGGAGCTCTGCCAGTGCCGGCCGGGAGAAGGCAATTGCTCCTGCTGTA
C L I Q E L C Q C R P G E G N C S C C K
250 270 290
AGGAGTGCATGCTGTGTCTTGGGGCCCTTTGGGACGAGTGCTGTGACTGTGTTGGTATGT
E C M L C L G A L W D E C C D C V G M C
310 330 350
GTAATCCTCGAAATTATAGTGACACACCTCCAACTTCAAAGAGCACAGTGGAGGAGCTGC
N P R N Y S D T P P T S K S T V E E L H
370 390 410
ATGAACCGATCCCTTCTCTCTTCCGGGCACTCACAGAAGGAGATACTCAGTTGAATTGGA
E P I P S L F R A L T E G D T Q L N W N
430 450 470
ACATCGTTTCTTTCCCTGTTGCAGAAGAACTTTCACATCATGAGAATCTGGTTTCATTTT
I V S F P V A E E L S H H E N L V S F L
490 510 530
TAGAAACTGTGAACCAGCCACACCACCAGAATGTGTCTGTCCCCAGCAATAATGTTCACG
E T V N Q P H H Q N V S V P S N N V H A
550 570 590
CGCCTTATTCCAGTGACAAAGAACACATGTGTACTGTGGTTTATTTTGATGACTGCATGT
P Y S S D K E H M C T V V Y F D D C M S
610 630 650
CCATACATCAGTGTAAAATATCCTGTGAGTCCATGGGAGCATCCAAATATCGCTGGTTTC
I H Q C K I S C E S M G A S K Y R W F H
670 690 710
ATAATGCCTGCTGCGAGTGCATTGGTCCAGAATGTATTGACTATGGTAGTAAAACTGTCA
N A C C E C I G P E C I D Y G S K T V K
730 750 770
AATGTATGAACTGCATGTTTTAAAGAAGACAAATGCAAACCAAAGCAACTTAGTAAAATA
C M N C M F •

FIG 1

```
  1 MKLHYVAVLTLAILMFLTWLPESLSCNKALCASDVSKCLIQELCQCRPGE 50
    l.l :  l: :. :  :..l::. :ll..:l:l llllll : lll: .:
  1 mqllcyfvilfvglapwsslanddgcnevvcgsvvskclitqscqcklnd 50

 51 GNCSCCKECMLCLGALWDECCDCVGMCNPRNYSDTPPTSKSTVEELHEPI 100
      l lll:l: lll.l: lll:l::ll .:.   .. l.:l.:::: l.:
 51 ..chcckdclnclgelyleccgcldmcpkhkdvlpsltprseigdi.egv 97

101 PSLFRALTEGDTQLNWNIVSFPVAEELSHHENLVSFLETVNQPHHQNVSV 150
    l.ll .ll.:l.: .l..:.l.: .::.:: . ..  :..l
 98 pelfdtltaedde.gwstirfsmragfkqrvqggasgdagn..... 137

151 PSNNVHAPYSSDKEHMCTVVYFDDCMSIHQCKISCESMGASKYRWFHNAC 200
      .l.::  :l.   :lll:l.:.l:. :.l:  lllllll.llllll:l
138 ..gngngnagsagvtlctvlyvnscirankcrqqcesmgassyrwfhdgc 186

201 CECIGPECIDYGSKTVKCMNC 221
    lll:l.:l::ll .. :l..l
186 cecvgenclnyginesrcrgc 206
```

FIG 2